

## ESTIMADO MÉDICO CARDIÓLOGO

Ponemos a su disposición **DIAGNÓSTICO GENÓMICO** para más de **52** enfermedades.

**DIMYGEN Laboratorio** es una institución especializada en análisis de ADN que desde el año 2005 puso a disposición de la sociedad del Sursureste de México, servicios de diagnóstico genético y molecular que incluye enfermedades hereditarias ocasionadas por alteraciones genéticas, detección molecular de agentes infecciosos, factores de riesgo, pronósticos genéticos, detección de portadores, cariotipos, confirmación de parentesco biológico y huella génica.

**DIMYGEN Laboratorio** cuenta con personal y asesores científicos altamente capacitados, miembros del Sistema Nacional de Investigadores (SNI), registrados en el Consejo Nacional de Ciencia y Tecnología (CONACYT), Peritos en Ciencia en las especialidades de Genética y Ambiente ante el Poder Judicial. **DIMYGEN Laboratorio** tiene el respaldo de científicos dedicados a la investigación en Genética y Biomedicina Molecular, que avalan el estricto control de calidad y confiabilidad para ofrecer un diagnóstico de certeza.

**DIMYGEN Laboratorio** ha establecido mecanismos de colaboración con instancias de asistencia social como los Centros de Rehabilitación Infantil TELETÓN en Mérida, Cancún y Chetumal, hospitales de salud pública y Juzgados del Poder Judicial de los Estados de Yucatán, Campeche y Quintana Roo e incluso con organizaciones no gubernamentales de defensa de los derechos humanos.

**DIMYGEN Laboratorio** es una empresa legalmente constituida, registrada en el registro público de la propiedad, con registro federal de causantes, contribuyente cumplido ante la Secretaría de Hacienda, patrón solidario ante el Instituto Mexicano del Seguro Social, y poseedor de permisos y licencias expedidas por las autoridades competentes.

**DIMYGEN Laboratorio** tiene alianzas con otras instituciones nacionales e internacionales que le permite ofrecer una gran variedad de estudios para el diagnóstico genómico de más de 1,300 enfermedades a las que se enfrentan diversas especialidades de la medicina como la Cardiología, Oncología, Ginecología, Neurología, Neumología, Hematología, Dermatología, Reumatología, Oftalmología, Endocrinología, Inmunología, Gastroenterología, Traumatología, Otorrinolaringología y Nefrología, entre otras.

En esta ocasión le hacemos llegar la lista de estudios que podrían ser de su interés en la especialidad de **CARDIOLOGÍA**. Si Usted requiere de otro estudio que no esté aquí listado, sólo tiene que solicitarlo y con todo gusto se le proporciona el precio adecuado. Nos ponemos a su disposición por cualquier información adicional que requiera.

**SERVICIOS DE DIAGNÓSTICO GENÓMICO**  
**CARDIOLOGÍA**

<b>Enfermedad</b>	<b>Gen</b>	<b>Modalidad</b>	<b>Plazo entrega resultados (días)</b>
Alagille Tipo 1, síndrome #118450	JAG1 601920	Análisis mediante MLPA	30
	JAG1 601920	Secuenciación de los exones 1-6, 9, 12, 17, 20, 23 y 24	25
	JAG1 601920	Secuenciación completa	30
Alagille Tipo 2, síndrome #610205	NOTCH2 *600275	Secuenciación completa	50
Aneurisma Aórtico Torácico Familiar #611788 %607086 #132900	ACTA2 *102620	Secuenciación completa	40
	TGFBR1 *190181	Secuenciación completa	35
	TGFBR2 190182	Secuenciación completa	40
	MYH11 *160745	Secuenciación completa	50
	SMAD3 *603109	Secuenciación completa	40
Beals, síndrome (Aracnodactilia Contractural Congénita) #121050	FBN2 *612570	Secuenciación del exón 24 al 36	35
	FBN2 *612570	Secuenciación completa	55
Bicúspide valvular aórtica #109730	NOTCH1 *190198	Secuenciación completa	50
Brugada, síndrome #601144	SCN5A *600163	Secuenciación completa	50
Calcificación arterial generalizada de la infancia #208000	ENPP1 *173335	Secuenciación completa	45
Cardio-facio-cutáneo, síndrome	MAP2K1 *176872	Secuenciación de los exones 2, 3 y 6	40

	MAP2K1 *176872	Secuenciación completa	40
Cardio-facio-cutáneo, síndrome #115150	MAP2K2 *601263	Detección de las mutaciones p.Phe57Val y p.Tyr134His mediante secuenciación	40
	MAP2K2 *601263	Secuenciación completa	40
Cardiomiopatía Familiar Hipertrófica (Síndrome de Wolff-Parkinson-White) #600858 #194200	PRKAG2 *602743	Secuenciación completa	40
Cardiomiopatía restrictiva familiar tipo 1 #115210	TNNI3 +191044	Secuenciación completa	40
Carney, síndrome #160980	PRKAR1A *188830	Secuenciación completa	40
Costello, síndrome #218040	HRAS *190020	Secuenciación del exón 2	25
	HRAS *190020	Secuenciación completa	40
Cutis laxa autosómica dominante #123700	ELN *130160	Secuenciación completa	50
Defectos Congénitos del Corazón #108900	NKX2-5 *600584	Secuenciación completa	35
Déficit de acil-CoA deshidrogenasa de ácidos grasos de cadena muy larga #201475	ACADVL *609575	Secuenciación completa	40
	ACADVL *609575	Análisis mediante MLPA	30
Déficit de proteína trifuncional mitocondrial #609015	HADHB *143450	Secuenciación completa	40
Desmiopatía #601419	DES *125660	Secuenciación completa	40
Displasia Arritmogénica del Ventrículo Derecho #609040 #607450 #610193 #600996	PKP2 *602861 DSP *125647 DSG2 *125671	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	PKP2 *602861 DSP *125647 DSG2 *125671 DSC2	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35

	*125645 JUP *173325 TGFB3 *190230 RYS2 (30 exones) *180902			
	Personalizado	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	141	35
	PKP2 *602861	Secuenciación completa	141	30
	DSP *125647	Secuenciación completa	141	45
	DSG2 *125671	Secuenciación completa	141	45
	RYS2 *180902	Secuenciación de los 30 exones principales	141	50
	DSC2 *125645	Secuenciación completa	141	40
	JUP *173325	Secuenciación completa	141	40
Distrofia muscular de Emery Dreifuss Autosómico Dominante #181350	LMNA *150330	Secuenciación completa	554	40
Distrofia muscular de Emery Dreifuss ligada al X #310300	EMD *300384	Secuenciación completa	555	40
	FHL1 *300163	Secuenciación completa	555	40
Ehlers-Danlos, síndrome #130050 #130000 #130010 #130020	COL3A1 *120180 COL5A1 *120215 COL5A2 *120190	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	804	35
Ehlers-Danlos, síndrome Tipo I/Tipo II (clásico) #130000 #130010	COL5A1 *120215 COL5A2 *120190	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	157	35
	COL5A1 *120215	Secuenciación completa	157	60
	COL5A2 *120190	Secuenciación completa	157	60
Ehlers-Danlos, síndrome Tipo III #130020	COL3A1 *120180	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	305	35
	COL3A1	Secuenciación completa	305	40

	*120180		
	TNXB *600985	Secuenciación completa	60
	COL5A3 *120216	Secuenciación completa	60
Ehlers-Danlos, síndrome Tipo IV (vascular) #130050	COL3A1 *120180	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	COL3A1 *120180	Secuenciación completa	40
Enfermedad Aórtica	TGFBR1 *190181 TGFBR2 190182 FBN1 *134797 ACTA2 *102620 FBN2 *612570 ELN *130160 TGFBR3 *600742	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	Personalizado	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
Enfermedades Mitocondriales	ADN mitocondrial	Secuenciación completa del ADN mitocondrial	55
Esclerosis Tuberosa #191100	TSC1 *605284 TSC2 *191092	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	TSC1 *605284	Análisis mediante MLPA	30
	TSC2 *191092	Análisis mediante MLPA	30
	TSC1 *605284	Secuenciación completa	30
	TSC2 *191092	Secuenciación completa	35
Estenosis supra valvular aórtica #185500	ELN *130160	Secuenciación completa	50
Heterotaxia #306955 #613751 #605376 +601877 #270100	ZIC3 *300265	Secuenciación completa	40
	ACVR2B *602730	Secuenciación completa	40
	CFC1	Secuenciación completa	40

	*605194		
	LEFTY2 +601877	Secuenciación completa	40
	NODAL *601265	Secuenciación completa	40
Hipercolesterolemia Familiar #144010 #143890	APOB 107730	Detección de las mutaciones p.Arg3500Gln, p.Arg3500Trp y p.Arg3531Cys mediante secuenciación	35
	APOB 107730	Secuenciación completa	50
	LDLR *606945	Secuenciación completa	40
Hipercolesterolemia familiar autosómica recesiva #603813	LDLRAP1 *605747	Secuenciación completa	40
Hipertensión #145500	NOS3 *163729	Secuenciación completa	45
Hipoplasia de Cavidades Izquierdas #241550	GJA1 121014	Secuenciación completa	35
Loeys-Dietz, síndrome #609192 #608967 #610168	TGFBR1 *190181	Secuenciación completa	35
	TGFBR1 *190181 TGFBR2 190182	Análisis mediante MLPA	30
	TGFBR2 190182	Secuenciación completa	40
Marfan Tipo 2, síndrome #154700	TGFBR2 190182	Secuenciación completa	40
Marfan, síndrome #154700	TGFBR2 190182 FBN1 *134797	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	TGFBR1 *190181 TGFBR2 190182 FBN1 *134797	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	FBN1 *134797	Secuenciación completa	55
	TGFBR2 190182	Secuenciación completa	40
	FBN1 *134797	Análisis mediante MLPA	30

Microdelección 22q11.2 (DiGeorge, velocardiofacial), síndrome #188400	Región genómica 22q11.2	Estudio molecular de deleciones en la región genómica 22q11.2 mediante MLPA	30
Microftalmia sindrómica tipo 9 #601186	STRA6 *610745	Secuenciación completa	40
Miocardiopatía Dilatada #115196 #115195 #115210 #115197 #192600 #115200	SCN5A *600163 LMNA *150330 MYH7 160760 MYBPC3 *600958 TNNT2 *191045 TNNI3 +191044	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	TPM1 *191010 LDB3 *605906 PSEN1 *104311 PSEN2 *600759 DES *125660 TCAP *604488 ACTC1 *102540 MYH6 *160710 VCL *193065 TNNC1 *191040	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	Personalizado	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	LMNA *150330	Secuenciación completa	40
	MYH7 160760	Secuenciación completa	50
	TNNT2 *191045	Secuenciación completa	40
	MYH7 160760 MYBPC3 *600958 TNNT2	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	Miocardiopatía Hipertrófica #115196 #115195 #115210 #115197	MYH7 160760 MYBPC3 *600958 TNNT2	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS

#192600 #608758 #608751 +102540	*191045 TNNI3 +191044 TPM1 *191010 MYL3 *160790 ACTC1 *102540		
	MYH7 160760 MYBPC3 *600958 TNNT2 *191045 TNNI3 +191044 TPM1 *191010 MYL2 *150330 MYL3 *160790 TCAP *604488 ACTC1 *102540 MYH6 *160710 TNNC1 *191040	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	Personalizado	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	TNNI3 +191044	Secuenciación completa	40
	MYL2 *150330	Secuenciación completa	40
	MYL3 *160790	Secuenciación completa	40
	ACTC1 *102540	Secuenciación completa	40
	Miocardiopatía no Compacta #115197 #192600 #115200 #606617 #601493	LMNA *150330 MYH7 160760 TNNT2 *191045 DTNA *601239 LDB3	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS



	*605906 ACTC1 *102540 TAZ *300394		
	Personalizado	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
Ondine , síndrome #209880	PHOX2B *603851	Secuenciación completa	35
Pseudoxantoma Elástico #177850	ABCC6 *603234	Detección de la delección del exón 23 al exón 29	30
	ABCC6 *603234	Secuenciación de los exones 24 y 28	35
	ABCC6 *603234	Secuenciación de los exones 21, 27, 29 y 30	35
	ABCC6 *603234	Secuenciación completa	50
	ABCC6 *603234	Análisis mediante MLPA	30
QT largo, síndrome #192500 #609620 #609622 #603830 +152427	SCN5A *600163 KCNQ1 *607542 KCNH2 +152427	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	SCN5A *600163 KCNQ1 *607542 KCNH2 +152427 KCNE1 +176261 KCNE2 +603796 CAV3 +601253	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	Personalizado	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	KCNJ2 *600681	Secuenciación completa	40
	KCNE2 +603796	Secuenciación completa	40
	KCNE1 +176261	Secuenciación completa	40
	SCN5A *600163	Secuenciación completa	50

	KCNQ1 *607542	Secuenciación completa	40
	KCNH2 +152427	Secuenciación completa	40
QT-Corto #609620 #609622 #609621	KCNQ1 *607542 KCNH2 +152427 KCNJ2 *600681	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	Personalizado	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
Rubinstein-Taybi, síndrome #180849	CREBBP *600140	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	45
	CREBBP *600140	Secuenciación completa	50
	CREBBP *600140	Análisis mediante MLPA	30
Taquicardia ventricular catecolinérgica #604772 #611938	RYR2 *180902	Secuenciación de los 30 exones principales	50
	RYR2 *180902	Secuenciación completa	70
	CASQ2 *114251	Secuenciación completa	40
Timothy, síndrome #601005	CACNA1C *114205	Detección de las mutaciones p.Gly406Arg y p.Gly402Ser mediante secuenciación	40
	CACNA1C *114205	Secuenciación completa	45
Tortuosidad arterial, síndrome #208050	SLC2A10 *606145	Secuenciación completa	40
Weill-Marchesani, síndrome #277600	ADAMTS10 *608990	Secuenciación completa	45
Williams-Beuren (WBS), síndrome #194050	Chr7q11	Detección de deleciones en la región genómica 7q11.2 mediante MLPA	30