

ESTIMADO MÉDICO TRAUMATÓLOGO

Ponemos a su disposición **DIAGNÓSTICO GENÓMICO** para más de **82** enfermedades.

DIMYGEN Laboratorio es una institución especializada en análisis de ADN que desde el año 2005 puso a disposición de la sociedad del Sursureste de México, servicios de diagnóstico genético y molecular que incluye enfermedades hereditarias ocasionadas por alteraciones genéticas, detección molecular de agentes infecciosos, factores de riesgo, pronósticos genéticos, detección de portadores, cariotipos, confirmación de parentesco biológico y huella génica.

DIMYGEN Laboratorio cuenta con personal y asesores científicos altamente capacitados, miembros del Sistema Nacional de Investigadores (SNI), registrados en el Consejo Nacional de Ciencia y Tecnología (CONACYT), Peritos en Ciencia en las especialidades de Genética y Ambiente ante el Poder Judicial. **DIMYGEN Laboratorio** tiene el respaldo de científicos dedicados a la investigación en Genética y Biomedicina Molecular, que avalan el estricto control de calidad y confiabilidad para ofrecer un diagnóstico de certeza.

DIMYGEN Laboratorio ha establecido mecanismos de colaboración con instancias de asistencia social como los Centros de Rehabilitación Infantil TELETÓN en Mérida, Cancún y Chetumal, hospitales de salud pública y Juzgados del Poder Judicial de los Estados de Yucatán, Campeche y Quintana Roo e incluso con organizaciones no gubernamentales de defensa de los derechos humanos.

DIMYGEN Laboratorio es una empresa legalmente constituida, registrada en el registro público de la propiedad, con registro federal de causantes, contribuyente cumplido ante la Secretaría de Hacienda, patrón solidario ante el Instituto Mexicano del Seguro Social, y poseedor de permisos y licencias expedidas por las autoridades competentes.

DIMYGEN Laboratorio tiene alianzas con otras instituciones nacionales e internacionales que le permite ofrecer una gran variedad de estudios para el diagnóstico genómico de más de 1,300 enfermedades a las que se enfrentan diversas especialidades de la medicina como la Cardiología, Oncología, Ginecología, Neurología, Neumología, Hematología, Dermatología, Reumatología, Oftalmología, Endocrinología, Inmunología, Gastroenterología, Traumatología, Otorrinolaringología y Nefrología, entre otras.

En esta ocasión le hacemos llegar la lista de estudios que podrían ser de su interés en la especialidad de **TRAUMATOLOGÍA**. Si Usted requiere de otro estudio que no esté aquí listado, sólo tiene que solicitarlo y con todo gusto se le proporciona el precio adecuado. Nos ponemos a su disposición por cualquier información adicional que requiera.

SERVICIOS DE DIAGNÓSTICO GENÓMICO

TRAUMATOLOGÍA

Enfermedad	Gen	Modalidad	Plazo entrega resultados (días)
3-M, síndrome #612921	OBSL1 *610991	Secuenciación completa	45
Acondrogénesis tipo II #200610	COL2A1 120140	Secuenciación completa	50
Acondroplasia #100800	FGFR3 *134934	Detección mutaciones p.Gly375Cys (c.1123G>T), p.Gly380Arg (c.1138G>A y c.1138G>C) mediante secuenciación	25
	FGFR3 *134934	Secuenciación completa	40
Alfa-manosidosis #248500	MAN2B1 *609458	Detección de las mutaciones p.Arg750Trp, p.Leu809Pro y c.1830 1G>C mediante secuenciación	40
	MAN2B1 *609458	Secuenciación completa	45
Anquilobléfaron displasia ectodérmica fisura labiopalatina (Síndrome AEC) #106260	TP63 *603273	Secuenciación de los exones 13 y 14	30
	TP63 *603273	Secuenciación del exón 3	30
	TP63 *603273	Secuenciación completa	40
Antley-Bixler, síndrome	FGFR2 *176943	Secuenciación completa	45
Antley-Bixler-like síndrome, genitales ambiguos, alteración de la esteroidogénesis #201750	POR *124015	Secuenciación completa	40
Apert, síndrome #101200	FGFR2 *176943	Detección mutaciones p.Ser252Trp y p.Pro253Arg mediante secuenciación	25
Aplasia del peroné - braquidactilia compleja (Síndrome de Du Pan) #228900	GDF5 *601146	Secuenciación completa	40

Artropatía pseudo-reumatoide progresiva infantil #208230	WISP3 *603400	Secuenciación completa	40
Beals, síndrome (Aracnodactilia Contractural Congénita) #121050	FBN2 *612570	Secuenciación del exón 24 al 36	35
	FBN2 *612570	Secuenciación completa	55
Braquidactilia tipo B2 #611377	NOG	Secuenciación completa	40
Braquiolmia tipo 3 #113500	TRPV4 *605427	Secuenciación completa	40
Bruck, síndrome #609220	PLOD2 *601865	Secuenciación completa	45
Coffin-Lowry, síndrome #303600	RSK2 *300075	Secuenciación completa	45
Condrodisplasia con luxaciones articulares congénitas #143095	CHST3 *603799	Secuenciación completa	40
Condrodisplasia punctata braquitelefalángica #302950	ARSE *300180	Secuenciación completa	40
Condrodisplasia punctata tipo 2 #302960	EBP *300205	Secuenciación completa	40
Contracturas congénitas letales, síndrome tipo 1 #253310	GLE1 *603371	Secuenciación completa	40
Cornelia de Lange, síndrome #122470 #610759 #300590	NIPBL *608667 SMC1A *300040 SMC3 *606062	NextGeneDx. Secuenciación completa mediante NGS	35
	NIPBL *608667	Secuenciación completa	55
	SMC1A *300040	Secuenciación completa	45
	SMC3 *606062	Secuenciación completa	45
	NIPBL *608667	Análisis mediante MLPA	30
Craneosinostosis tipo II #604757	MSX2 *123101	Secuenciación completa	35
Crouzon con Acantosis Nigricans, síndrome #612247	FGFR3 *134934	Detección de la mutación p.Ala391Glu	25
	FGFR3	Detección mutación p.Pro250Arg mediante	25

	*134934	secuenciación	
Crouzon, síndrome #123500	FGFR2 *176943	Secuenciación de los exones 8 y 10	30
	FGFR2 *176943	Secuenciación del exón 3	30
	FGFR2 *176943	Secuenciación completa	45
Desbuquois, síndrome #251450	CANT1 +613165	Secuenciación completa	40
Displasia Cleidocraneal #119600	RUNX2 *600211	Secuenciación completa	35
Displasia craneofrontonasal #304110	EFNB1 *300035	Secuenciación completa	40
Displasia Distrófica #222600	SLC26A2 *606718	Detección de las mutaciones IVS1 2T>C, p.Arg178X, p.Arg279Trp, p.Val340del y p.Cys653Ser mediante secuenciación	40
	SLC26A2 *606718	Secuenciación completa	40
Displasia Epifisaria Múltiple tipo 1 #132400	COMP *600310	Secuenciación del exón 8 al exón 19	40
	COMP *600310	Secuenciación completa	40
	MATN3 *602109	Secuenciación del exón 2	25
	COL9A1 120210	Secuenciación de los exones 8 y 9	35
	COL9A2 *120260	Secuenciación de los exones 2, 3 y 4	35
	COL9A2 *120260	Secuenciación completa	45
	COL9A3 *120270	Secuenciación de los exones 2, 3 y 4	35
	MATN3 *602109	Secuenciación completa	40
Displasia Epifisaria Múltiple tipo 4 #226900	SLC26A2 *606718	Detección de las mutaciones p.Arg279Trp, c.-26 2T>C y p.Cys653Ser mediante secuenciación	35
	SLC26A2 *606718	Secuenciación completa	40
Displasia Espondiloepifisaria Congénita #183900	COL2A1 120140	Secuenciación completa	50
	COL2A1 120140	Análisis mediante MLPA	30
Displasia Espondiloepifisaria	SEDL	Secuenciación completa	35

Ligada al X #313400	*300202		
Displasia espondiloepifisaria tardía #313400	TRAPPC2 *300202	Secuenciación completa	45
Displasia espondilometafisaria con inmunodeficiencia combinada #607944	ACP5 *171640	Secuenciación completa	40
Displasia geofísica #231050	ADAMTSL2 *612277	Secuenciación completa	40
Displasia Tanatofórica tipo I y tipo II #187600 #187601	FGFR3 *134934	Detección mutaciones p.Arg248Cys, p.Ser249Cys, p.Gly370Cys, p.Ser371Cys, p.Tyr373Cys, p.Lys650Gln y las del codón 807 mediante secuenciación	25
	FGFR3 *134934	Secuenciación completa	40
Displasias esqueléticas	COL2A1 120140 FGFR3 *134934 SLC26A2 *606718 COL1A2 *120160 COL1A1 120150 CRTAP *605497 SOX9 *608160 ALPL *171760 LEPRE1	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	FGFR2 *176943 COMP *600310 COL11A1 *120280 COL11A2 *120290 EVC *604831 TRIP11 *200600 EVC2 *607261	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	Personalizado	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35

Distrofia torácica asfixiante del recién nacido (Síndrome de Jeune) #611263 #613091 #613819 #614376	IFT80 *611177	Secuenciación completa	45
	DYNC2H1 *603297	Secuenciación completa	65
	TTC21B *612014	Secuenciación completa	45
	WDR19 *608151	Secuenciación completa	50
Duane del rayo radial, síndrome #607323	SALL4 *607343	Secuenciación completa	40
Dyggve-Melchior-Clausen, síndrome #223800	DYM *607461	Secuenciación completa	40
Ectrodactilia, Displasia Ectodérmica y Hendidura Palatina, síndrome (EEC Tipo 3) #604292	TP63 *603273	Secuenciación de los exones 6, 7, 8 y 9	35
	TP63 *603273	Secuenciación completa	40
Ehlers-Danlos, síndrome #130050 #130000 #130010 #130020	COL3A1 *120180 COL5A1 *120215 COL5A2 *120190	NextGeneDx. Secuenciación completa mediante NGS	35
Ehlers-Danlos, síndrome Tipo I/Tipo II (clásico) #130000 #130010	COL5A1 *120215 COL5A2 *120190	NextGeneDx. Secuenciación completa mediante NGS	35
	COL5A1 *120215	Secuenciación completa	60
	COL5A2 *120190	Secuenciación completa	60
Ehlers-Danlos, síndrome Tipo VII #130060		Detección de mutaciones en las zonas de splicing de los exones 6 de los genes COL1A1 y COL1A2 mediante secuenciación	25
Ehlers-Danlos, síndrome tipo VIIC #225410	ADAMTS2 *604539	Secuenciación completa	45
Enanismo microcefálico osteodisplásico primordial #210710	RNU4ATAC *601428	Secuenciación completa	40
Enanismo microcefálico osteodisplásico primordial tipo 2 #210720	PCNT *605925	Secuenciación completa	55

Enfermedades Mitocondriales	ADN mitocondrial	Secuenciación completa del ADN mitocondrial	
Esclerosteosis #269500	SOST *605740	Secuenciación completa	55
Exostosis Múltiple #133700 #133701	EXT1 *608177	Análisis mediante MLPA	30
	EXT2 *608210	Análisis mediante MLPA	30
	EXT1 *608177	Secuenciación completa	40
	EXT2 *608210	Secuenciación completa	40
Galactosialidosis #256540	CTSA *613111	Secuenciación completa	40
Genitopatelar, síndrome #606170	KAT6B *605880	Secuenciación del exón 18	40
	KAT6B *605880	Secuenciación completa	45
Hipertermia maligna #145600	RYR1 *180901	Secuenciación de los exones 2, 5, 9, 11, 12, 14, 17, 39, 40, 44, 45, 46, 71, 100, 101 y 102	40
	RYR1 *180901	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	RYR1 *180901	Secuenciación completa	65
Hipocondroplasia #146000	FGFR3 *134934	Secuenciación del exón 13 al 15	25
	FGFR3 *134934	Secuenciación de los exones 9 y 10	25
	FGFR3 *134934	Secuenciación completa	40
Hipofosfatasa #146300 #241510 #241500	ALPL *171760	Secuenciación de los exones 6, 9, 10 y 11	40
	ALPL *171760	Secuenciación completa	40
Hipoplasia de cartilago-pelo #250450	RMRP *157660	Secuenciación completa	35
Insuficiencia pancreática - anemia - hiperostosis #612714	COX4I2 *607976	Secuenciación completa	40
Jarcho Levin, síndrome (Disostosis espondilocostal autosómica recesiva) #277300	DLL3 *602768	Secuenciación completa	35
	MESP2 *605195	Secuenciación completa	35

+%23608681 #609813	HES7 *608059	Secuenciación completa	35
	LFNG *602576	Secuenciación completa	40
Klippel-Feil, síndrome #118100	GDF6 *601147	Secuenciación completa	35
	MEOX1 *600147	Secuenciación completa	40
	GDF3 *606522	Secuenciación completa	40
Larsen, síndrome #150250	FLNB *603381	Secuenciación del exón 2 al exón 5 y del exón 27 al exón 33	40
	FLNB *603381	Secuenciación completa	50
Lupus eritematoso sistémico #152700	DNASE1 *125505	Secuenciación completa	40
Marfan Tipo 2, síndrome #154700	TGFBR2 190182	Secuenciación completa	40
Marfan, síndrome #154700	TGFBR2 190182 FBN1 *134797	NextGeneDx. Secuenciación completa mediante NGS	35
	TGFBR1 *190181 TGFBR2 190182 FBN1 *134797	NextGeneDx. Secuenciación completa mediante NGS	35
	FBN1 *134797	Secuenciación completa	55
	TGFBR2 190182	Secuenciación completa	40
	FBN1 *134797	Análisis mediante MLPA	30
Marshall, síndrome de #154780	COL11A1 *120280	NextGeneDx. Secuenciación completa mediante NGS	35
McCune-Albright, síndrome #174800	GNAS +139320	Secuenciación completa	35
Meier-Gorlin, síndrome	ORC1 *601902	Secuenciación completa	40
Melorreostosis %155950	LEMD3 *607844	Secuenciación completa	40
Microcefalia Primaria Autosómica Recesiva tipo 1 #251200	MCPH1 *607117	Secuenciación completa	40

Mucopolisacaridosis Tipo VII #253220	GUSB *611499	Complete sequencing	50
Muenke, síndrome #602849	FGFR3 *134934	Detección mutación p.Pro250Arg mediante secuenciación	25
Nail Patella, síndrome #161200	LMX1B *602575	Secuenciación completa	35
Osteogénesis Imperfecta #166200 #166210 #166220 #259420	COL1A2 *120160 COL1A1 120150 CRTAP *605497 LEPRE1	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	COL1A2 *120160 COL1A1 120150	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	COL1A1 120150	Secuenciación completa	30
	COL1A2 *120160	Secuenciación completa	35
	COL1A1 120150	Análisis mediante MLPA	30
	COL1A2 *120160	Análisis mediante MLPA	30
Osteogénesis Imperfecta tipo IIB #610854	CRTAP *605497	Secuenciación completa	35
Osteogénesis Imperfecta tipo VIII #610915	LEPRE 1 *610339	Secuenciación completa	40
Osteogénesis imperfecta, Tipo IX #259440	PPIB *123841	Secuenciación completa	40
Osteopatía estriada con esclerosis craneana #300373	WTX (FAM123B) *300647	Secuenciación completa	40
Osteopetrosis - acidosis renal tubular #259730	CA2 *611492	Secuenciación completa	40
Osteopetrosis maligna autosómica recesiva #259700	TCIRG1 *604592	Secuenciación completa	40
Osteopetrosis maligna autosómica recesiva Tipo 2 #259710	TNFSF11 *602642	Secuenciación completa	40
Osteopetrosis, autosómica	OSTM1	Secuenciación completa	40

	*606681		
Stickler, síndrome #108300 #604841 #184840	COL2A1 120140 COL11A1 *120280 COL11A2 *120290	NextGeneDx.Secuenciación completa mediante NGS	35
	COL2A1 120140	Secuenciación completa	50
	COL11A1 *120280	Secuenciación completa	55
	COL11A2 *120290	Secuenciación completa	50
	COL2A1 120140	Análisis mediante MLPA	30
	COL11A1 *120280	Análisis mediante MLPA	30
Weill-Marchesani, síndrome #277600	ADAMTS10 *608990	Secuenciación completa	45
Wolcott-Rallison, síndrome #226980	EIF2AK3 *604032	Secuenciación completa	40